

VORTRÄGE: Datenbanken und Recht

H.-D. Lippert, P. Wiegand (Ulm)
Molekulargenetische Untersuchung an
Spurenmaterial nicht ohne einen Richter?

H. Wittig, K.-U. Sattler, D. Krause (Magdeburg)
D-Loop-BASE im Internet - Eine neue Qualität der
forensischen mtDNA-Datenbank

H. Schmitter (Wiesbaden)
Die DNA-Analyse-Datei in Deutschland -
Organisation und Wirkbetrieb

12:30 - 12:45

ABSCHLIESSENDE DISKUSSION

UND AUSBLICK

B. Brinkmann

12:45

ABSCHIEDSIMBISS

Die Referenten der mit * gekennzeichneten Vorträge
wurden eingeladen und mit DFG-Mitteln gefördert.

Information

Tagungsort:
Institut für Rechtsmedizin
Theoretischer Hörsaal
Frauenlobstr. 7a
80337 München

Tagungsbüro:
Foyer des Theoretischen Hörsaals
geöffnet:
Freitag, 09.02.01, 12:00 - 18:00 Uhr
Samstag, 10.02.01, 09:00 - 13:00 Uhr
Telefonisch erreichbar während der Tagung:
089/5160-5588

Sponsoren + Förderung

Wir danken den folgenden Firmen und Institutionen
für die freundliche Unterstützung der Tagung:

Applied Biosystems - PE Deutschland GmbH
Brunnenweg 13, 64331 Weiterstadt

Bay. Staatsministerium f. Wissenschaft,
Forschung und Kunst

Biotype - Ges. f. molekularbiol. Analytik mbH
Moritzburger Weg 67, 01109 Dresden

BJ Diagnostik GmbH
Kerkrader Straße 11, 35394 Gießen

Deutsche Forschungsgemeinschaft

Dt. Apotheker und Ärztebank
Goethestr. 74, 80337 München

ETC GmbH
Bahnhofstr. 26, 72138 Kirchentellinsfurt

GEN-IAL GmbH
Mülheimer Str., Tor 3, Geb. 159, 53840 Troisdorf

G. Kisker - Produkte für Biotechnologie
Postfach 2105, 69240 Mühlhausen

Institut für Gerichtliche Medizin
Müllerstr. 44, A-6020 Innsbruck

Müller & Steinecke - Medizinische Buchhandlungen
Lindwurmstr. 21, 80337 München

Promega GmbH
Schildkrötstr. 15, 68199 Mannheim

Schulz Bürozentrum
Dachauer Str. 192, 80992 München

Serac GmbH
Leopoldsweg 30,
91348 Bad Homburg



Deutsche Gesellschaft Für rechtsmedizin

21. Spurenworkshop

München, 09.-10.02.2001

Tagungsprogramm

Freitag, 09.02.2001

14:00 - 14:30

BEGRÜSSUNG

Prof. Dr. W. Eisenmenger
Direktor des Instituts für Rechtsmedizin München

Prof. Dr. Dr. h.c. K. Peter
Dekan der medizinischen Fakultät der LMU

H. Froschauer
Generalstaatsanwalt beim Oberlandesgericht München

Prof. Dr. B. Brinkmann
Präsident der Deutschen Gesellschaft für Rechtsmedizin

14:30 - 16:00

ERGEBNISSE DER RINGVERSUCHE

GEDNAP 20 + 21

B. Brinkmann, S. Rand

16:00 - 16:30

PAUSE

16:30 - 18:15

VORTRÄGE: Spuren

D. Schmidt, J. Gerstenberger, S. Hummel (Göttingen)
DNA-Typisierung aus Speichel an angebissenen
Lebensmitteln

R. Schubbert, MediGenomix (München)
DNA-Analyse von Tierspuren in der Forensik

J. Amendt (Frankfurt/M.)
Insektenkundliche Spurensicherung am Leichenfundort

J. Becker (Bonn)
Genial First DNA - Ein Kit für alle Fälle

VORTRÄGE:

Knochen und degradierte DNA

C. Csete, T. Varga, Z. Beer (Szeged) *
Identifizierung von Skeletten mittels STR-
Bestimmungen

J. Kiesslich (Salzburg) *
STR-Typisierungen an drei La Tene-zeitlichen (330
v.Chr.) Skeletten vom Dürrnberg bei Hallein (SGM+,
Profiler und Y-STRs)

K. Bender (Mainz)
Herstellung von degradierter DNA unter
kontrollierten Bedingungen

P. M. Schneider (Mainz)
Die STR-Analyse von degradierter DNA -
Ergebnisse des STADNAP-Ringversuches

19:15

ABENDESSEN: Paulaner Bräuhaus

Samstag, 10.02.2001

09:30 - 10:45

VORTRÄGE: Multiplex-PCR

R. Weispfenning, Promega (Mannheim)
Das PowerPlex16 System - Technische Daten und
Ergebnisse aus der forensischen Anwendung

G. Weichhold, Applied Biosystems (Weiterstadt)
Neue Wege in der forensischen Identifizierung
- AmpFLSTR Identifier - eine neue
hochdiskriminierende Multiplex

A. Junge, B. Madea (Bonn)
Erfahrungen mit den STR-Systemen D18S51,
D3S1358, D8S1179 und dem Multiplex Kit
GenRES-MPX-2

VORTRÄGE:

Elektrophorese und Datenanalyse

H.-P. Schickle, ETC Elektrophorese-Technik
(Kirchentellinsfurt)
Darstellung von Mikrosatelliten in der
Elektrophorese

W. Parson, D. Niederwieser, M. Steinlechner, R.
Scheithauer (Innsbruck)
Evaluierungsstudie und Erfahrungsbericht zur
forensischen Anwendung der Multikapillar-
Elektrophorese 3700 DNA Analyzer

M. Jung, BJ Diagnostik (Gießen)
DNA Match: ein neues Programm für die Sequenz-
und Fragmentanalyse von DNA

10:45 - 11:15

PAUSE

11:15 - 12:30

VORTRÄGE: Y-chromosomale Marker

B. Berger, H. Niederstetter, M. Steinlechner, W.
Parson (Innsbruck)
Y-STR-Multiplexen für Populationsstudien und die
forensische Spurenanalyse: Neues Primerdesign
und optimierte Reaktionsbedingungen

P. de Knijff, P. Dieltjes (Leiden) *
Pyrosequencing: an efficient and reliable method to
identify Chromosome Y SNP variability

U. Schmidt, N. Meier, S. Lutz, S. Pollak (Freiburg)
Untersuchung eines 135 bp langen PCR-Produktes
im System YCA II